

NGSデータを用いた非モデル生物の ゲノム・トランスクリプトーム解析

平成27年1月22日(木) 13:00~17:20

東京農業大学世田谷キャンパス 講義棟(1号館) 233教室

参加費 無料

懇親会費 2000円



13:00~13:10 開会挨拶

13:10~14:00 笠原雅弘 先生 東京大学大学院 新領域創成科学研究科

演題 「1分子DNAシーケンサーを用いたゲノム解読」

14:00~14:10 休憩

14:10~15:00 城口克之 先生 理化学研究所 統合生命医学研究センター

演題 「分子バーコーディング法を用いて核酸をデジタル定量する」

15:00~15:10 休憩

15:10~16:00 内藤 健 先生 (独)農業生物資源研究所 遺伝資源センター

演題 「Genus Vigna ~the Wild and Sexy~」

16:00~16:10 休憩

16:10~17:00 花田耕介 先生 九州工業大学 若手フロンティア研究アカデミー

演題 「Illumina short readsデータを用いた非モデル植物の遺伝子同定に向けて」

17:00~17:20 総合討論・閉会挨拶

17:30~ 懇親会

発表時間は40分、質疑応答は10分とします。

17:30より懇親会を予定しております。参加希望者は1/19(月)までに
センター事務局(kyoten-g@nodai.ac.jp)までご連絡ください。